

Supplementary materials

GZ16070100985(RAB3IP-1) CMV-F_Z_B04

Ccgaatggggacaatagcagagctcgttagtgaccgtcagatcgctggagacgcatccacgctgtttgacctccatagaagacaccgactctactagaggatcgctagc
gctaccggactcagatctcagctcaagctcgaattctgcagtcgacgggtaccgcgggcccgggatccgccaccatgggattaaaaaatgaaaggggtatcttatgatgag
gcttttgctatggctaataatgatcccttgaaggcttccatgaagtaaacttgcctcacctacttctccggaccttcttggtgtgatgaatcaggaactcaagagcagactacc
aagtgtcatctaccggccacaccctcagctttatctctgtacctatccaggcaaatgcattagatgtttctgaacttctacacaaccggtattcatccccagacgtttaaattg
gcggaatatctagatcagctttcatgttacagaccagccccctgctctacctctggagtcacagctggattaactaaactaagaagaaggacaactataatgcagagaga
gagttttacaggggtctactataacagaggcttgcgatggcagtgatgataatgggtgagtagtctgtctcgtttacgaagcccatctgtttggaagttagagaaaag
ggctatgaacgattaaaaagaagaactcgaagagctcagaggggaactgaagttaaaagatgaagaatgtgagaggcttcaaaagtgcgagatcaactggacaggaattgga
agaactcacagctagctatttgaggaagctcataaatggtagagagaagcaaatatcaagcaggcaacagcagaaaaacagctaaaagaagcacaaggaaaaattgatgtac
ttcaagctgaagtagctgactgaagacactgtattgtccagttctcaacatcacctacgcaggagcc

GZ16070400957(RAB3IP-1)RAB3IPcexuF(20um)_Z_C10

cgaggttttagccgggcccacagcagaaaaacagctaaaagaagcacaaggaaaaattgatgtacttcaagctgaagtagctgactgaagacactgtattgtccagttctcc
aacatcacctacgcaggagccttgcaggtggaagacacctttaaaaaggggcatacaagaataaaagcacaagcagtgctatgagtgagcagtcacaggacctcagtg
tgatacagccaattgtaaaagactgcaagaggctgacttatcttataatgaattccgattgtggaaggatgagcccacaatggacaggacgtgtcctttcttagacaaaatct
accaggaagatactttccatgttaacattctcaaaaagtgagttgctcagctgttctggaggctgtggaacaataactctaagcattgaaccagtgaggattacaacctatccg
gtttgtgaaagcttctgcagttgaatgaggagcacaataatgtgctctcactggccagagtaagctgtaaacacagaattaaataggggactcaagcaactattattatatt
tctccttttcagatacaggatcacttctgtatgtaactttttacatactcagatactcagcagggactcgtgaaacagcaggatgttgatcagatgtttggagggtatgcagtt
gagaaaagagatgtcattggcaagctgggtatttcaagaggaactctgagcggccttggcgcgcccagagatactgagtcattagggactttccaatgggtttgccca
gtacataaggtaaatgggtgaatcaacaggaagtccttggagccaagtacactgagtcataagggactttccattgggtttgccagttacaaaaggtcataggggggtga
gtcaatgggttttccattattggcacgtacataaagtcaatagggtgagtcattgggtttccag

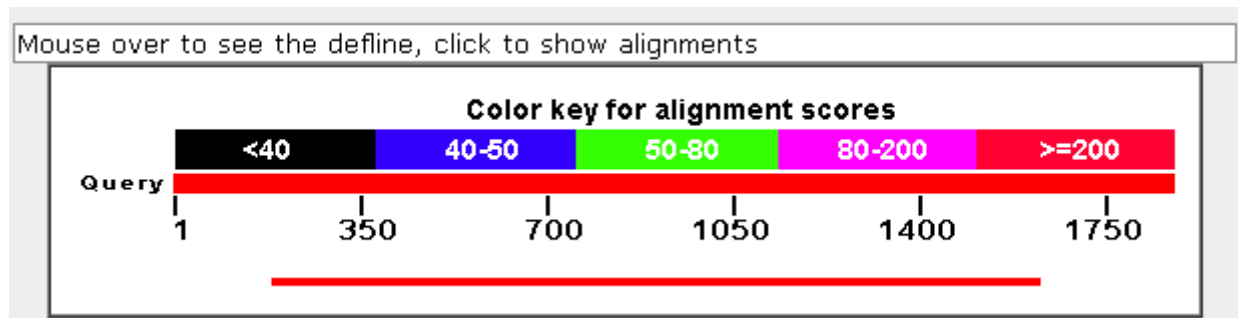
Connection

ccgaatggggacaatagcagagctcgttagtgaccgtcagatcgctggagacgcatccacgctgtttgacctccatagaagacaccgactctactagaggatcgctagc
ctaccggactcagatctcagctcaagctcgaattctgcagtcgacgggtaccgcgggcccgggatccgccaccatgggattaaaaaatgaaaggggtatcttatgatgagg
cttttgctatggctaataatgatcccttgaaggcttccatgaagtaaacttgcctcacctacttctccggaccttcttggtgtgatgaatcaggaactcaagagcagactacc
agtgatctaccggccacaccctcagctttatctctgtacctatccaggcaaatgcattagatgtttctgaacttctacacaaccggtattcatccccagacgtttaaattg
cggaatatctagatcagctttcatgttacagaccagccccctgctctacctctggagtcacagctggattaactaaactaagaagaaggacaactataatgcagagagag
agttttacaggggtctactataacagaggcttgcgatggcagtgatgataatgggtgagtagtctgtctcgtttacgaagcccatctgtttggaagttagagaaaagg
gctatgaacgattaaaaagaagaactcgaagagctcagaggggaactgaagttaaaagatgaagaatgtgagaggcttcaaaagtgcgagatcaactggacaggaattgga

gaactcacagctagtctatttgaggaagctataaaatgggtgagagaagcaaatatcaagcaggcaacagcagaaaaacagctaaaagaagcacaaggaaaaattgatgact
tcaagctgaagtagctgcattgaagacacttgattgtccagttctccaacatcacctacgcaggagcctttgccagggtgaaagacacctttaaaaaggggcatacaagaata
aaagcacaagcagtgctatgagtgagcagtcacaggacctcagtgatgacagccaattgtaaagactgcaaagaggctgacttacctgtataatgaattccgattgtggaag
gatgagcccacaatggacaggcgtgtcctttcttagacaaaatctaccaggaagatatcttccatgtttaacattctcaaaaagtgagttggcttcagctgttctggaggctgtgg
aaaaaataacttaagcattgaaccagtgaggattacaacctatccggtttgaaagcttctgcagttgaatgcgaggaccaaaaaatgtgctctcactggccagagtaagtcc
tgtaaacacagaataaattaggggactcaagcaactattattatctctcttttgagatacaggatcacttctgtatgtaactttttacatacttcgatactcagcagggactc
gtgaaacagcaggatgtgatcagatgtttggagggtatgcagttgagaaaagagatgtcattggcaaagctgggttatttcaaagaggaactctgagcggccgcttggcgcg
ccagagatactgagtcattagggactttcaatgggtttgccagtacataaggtcaataggggtgaatcaacaggaaagtccttggagccaagtacactgagtcataag
ggactttccattgggtttgccagtacaaaaggtcataggggtgagtcataaggtttccattattggcacgtacataaagtcataaggggtgagtcattgggtttccag

Compare to Blast results

[blastn suite-2sequences](#) >> RID-RYWT4UAV11N



Select: [All](#) [None](#) Selected: 0

[Alignments](#) [Download](#) [Graphics](#)

Description	Max score	Total score	Query cover	E value	Ident	Accession
None provided	2643	2643	76%	0.0	100%	Query_188673

[Download](#) [Graphics](#)

Sequence ID: lc|Query_188673 Length: 1431 Number of Matches: 1

Range 1: 1 to 1431 [Graphics](#)

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
2643 bits(1431)	0.0	1431/1431(100%)	0/1431(0%)	Plus/Plus
Query 189	ATGGGATTAATAAAGATGAAAGGGTTATCTTATGATGAGGCTTTTGCTATGGCTAATGAT	248		
Sbjct 1	ATGGGATTAATAAAGATGAAAGGGTTATCTTATGATGAGGCTTTTGCTATGGCTAATGAT	60		
Query 249	CCCTTGGAAGGCTTCCATGAAGTAAACCTTGCTTCACCTACTTCTCCGACCTTCTTGGT	308		
Sbjct 61	CCCTTGGAAGGCTTCCATGAAGTAAACCTTGCTTCACCTACTTCTCCGACCTTCTTGGT	120		
Query 309	GTGTATGAATCAGGAACCTCAAGAGCAGACTACCTACCAAGTGTCATCTACCGCCACAC	368		

Sbjct	121	GTGTATGAATCAGGAACTCAAGAGCAGACTACCTCACCAAGTGTCATCTACCGGCCACAC	180
Query	369	CCTTCAGCTTTATCCTCTGTACCTATCCAGGCAAATGCATTAGATGTTTCTGAACTTCCT	428
Sbjct	181	CCTTCAGCTTTATCCTCTGTACCTATCCAGGCAAATGCATTAGATGTTTCTGAACTTCCT	240
Query	429	ACACAACCCGTGTATTTCATCCCCCAGACGTTTAAATTGTGCGGAAATATCTAGTATCAGC	488
Sbjct	241	ACACAACCCGTGTATTTCATCCCCCAGACGTTTAAATTGTGCGGAAATATCTAGTATCAGC	300
Query	489	TTTCATGTTACAGACCCAGCCCCTTGCTCTACCTCTGGAGTCACAGCTGGATTAATAAA	548
Sbjct	301	TTTCATGTTACAGACCCAGCCCCTTGCTCTACCTCTGGAGTCACAGCTGGATTAATAAA	360
Query	549	TAACTACAAGAAAGGACAACACTATAATGCAGAGAGAGAGTTTTTACAGGGTGCTACTATA	608
Sbjct	361	TAACTACAAGAAAGGACAACACTATAATGCAGAGAGAGAGTTTTTACAGGGTGCTACTATA	420
Query	609	ACAGAGGCTTGCGATGGCAGTGATGATATTTTTGGGTTGAGTACTGATAGTCTGTCTCGT	668
Sbjct	421	ACAGAGGCTTGCGATGGCAGTGATGATATTTTTGGGTTGAGTACTGATAGTCTGTCTCGT	480
Query	669	TTACGAAGCCCATCTGTTTTGGAAGTTAGAGAAAAGGGCTATGAACGATTAAGAAGAA	728
Sbjct	481	TTACGAAGCCCATCTGTTTTGGAAGTTAGAGAAAAGGGCTATGAACGATTAAGAAGAA	540
Query	729	CTCGCAAAAGCTCAGAGGGAAGTAAAGATGAAGAATGTGAGAGGCTTTCAAAA	788
Sbjct	541	CTCGCAAAAGCTCAGAGGGAAGTAAAGATGAAGAATGTGAGAGGCTTTCAAAA	600
Query	789	GTGCGAGATCAACTTGGACAGGAATTGGAAGAACTCACAGCTAGTCTATTTGAGGAAGCT	848
Sbjct	601	GTGCGAGATCAACTTGGACAGGAATTGGAAGAACTCACAGCTAGTCTATTTGAGGAAGCT	660
Query	849	CATAAAATGGTGAGAGAAGCAAATATCAAGCAGGCAACAGCAGAAAAACAGCTAAAAGAA	908

Sbjct	661	CATAAAATGGTGAGAGAAGCAAATATCAAGCAGGCAACAGCAGAAAAACAGCTAAAAGAA	720
Query	909	GCACAAGGAAAAAATTGATGTACTTCAAGCTGAAGTAGCTGCATTGAAGACACTTGTATTG	968
Sbjct	721	GCACAAGGAAAAAATTGATGTACTTCAAGCTGAAGTAGCTGCATTGAAGACACTTGTATTG	780
Query	969	TCCAGTTCTCCAACATCACCTACGCAGGAGCCTTTGCCAGGTGGAAAGACACCTTTTAAA	1028
Sbjct	781	TCCAGTTCTCCAACATCACCTACGCAGGAGCCTTTGCCAGGTGGAAAGACACCTTTTAAA	840
Query	1029	AAGGGGCATACAAGAAATAAAAAGCACAAGCAGTGCTATGAGTGGCAGTCATCAGGACCTC	1088
Sbjct	841	AAGGGGCATACAAGAAATAAAAAGCACAAGCAGTGCTATGAGTGGCAGTCATCAGGACCTC	900
Query	1089	AGTGTGATACAGCCAATTGTAAAAGACTGCAAAGAGGCTGACTTATCCTTGTATAATGAA	1148
Sbjct	901	AGTGTGATACAGCCAATTGTAAAAGACTGCAAAGAGGCTGACTTATCCTTGTATAATGAA	960
Query	1149	TTCCGATTGTGGAAGGATGAGCCCACAATGGACAGGACGTGTCCTTTCTTAGACAAAATC	1208
Sbjct	961	TTCCGATTGTGGAAGGATGAGCCCACAATGGACAGGACGTGTCCTTTCTTAGACAAAATC	1020
Query	1209	TACCAGGAAGATATCTTTCCATGTTTAACATTCTCAAAAAGTGAGTTGGCTTCAGCTGTT	1268
Sbjct	1021	TACCAGGAAGATATCTTTCCATGTTTAACATTCTCAAAAAGTGAGTTGGCTTCAGCTGTT	1080
Query	1269	CTGGAGGCTGTGGAAAAACAATACTCTAAGCATTGAACCAGTGGGATTACAACCTATCCGG	1328
Sbjct	1081	CTGGAGGCTGTGGAAAAACAATACTCTAAGCATTGAACCAGTGGGATTACAACCTATCCGG	1140
Query	1329	TTTGTGAAAGCTTCTGCAGTTGAATGCGGAGGACCaaaaaaTGTGCTCTCACTGGCCAG	1388
Sbjct	1141	TTTGTGAAAGCTTCTGCAGTTGAATGCGGAGGACCAAAAAAATGTGCTCTCACTGGCCAG	1200
Query	1389	AGTAAGTCCTGTAAACACAGAATTTAAATTAGGGGACTCAAGCAACTATTATTATTTCT	1448

Sbjct 1201 AGTAAGTCCTGTAAACACAGAATTAATAGGGGACTCAAGCAACTATTATTATATTTCT 1260

Query 1449 CCTTTTGCAGATACAGGATCACTTCTGTATGTAACTTTTTACATACATTCGATACATT 1508

|||||

Sbjct 1261 CCTTTTGCAGATACAGGATCACTTCTGTATGTAACTTTTTACATACATTCGATACATT 1320

Query 1509 CAGCAGGGACTCGTGAAACAGCAGGATGTTGATCAGATGTTTTGGGAGGTTATGCAGTTG 1568

|||||

Sbjct 1321 CAGCAGGGACTCGTGAAACAGCAGGATGTTGATCAGATGTTTTGGGAGGTTATGCAGTTG 1380

Query 1569 AGAAAAGAGATGTCATTGGCAAAGCTGGGTATTTCAAAGAGGAACTCTGA 1619 [Sequence Results](#)

|||||

Sbjct 1381 AGAAAAGAGATGTCATTGGCAAAGCTGGGTATTTCAAAGAGGAACTCTGA 1431 [RAB3IP squence](#)